

Feuille de demande - Génétique moléculaire des Hémopathies

A remplir par le prescripteur – A joindre obligatoirement

Contacts : Dr Julliane BLOCH julliane.bloch@chu-dijon.fr

Tel : 03 80 29 57 20 – Fax : 03 80 29 35 66

Manuel de prélèvements : <https://chu-dijon.manuelprelevement.fr/>

NOM : NOM de naissance : PRENOM : DATE DE NAISSANCE : SEXE : ☐ F ☐ M	Etiquette patient	Hôpital / Service demandeur : Médecin prescripteur : Date du prélèvement : Nom du préleveur :
--	-------------------	--

PRÉLÈVEMENT (TUBE EDTA, stockage T° amb) : ☐ Sang (min. 5mL) ☐ Moelle ☐ Autre :

OPPOSITION A LA CONSERVATION ? : ☐ oui ☐ non (OBLIGATOIRE. Le document initial est à conserver dans le dossier patient au niveau du service clinique)

RENSEIGNEMENTS CLINIQUES OBLIGATOIRES :

STADE DE LA MALADIE : ☐ Diagnostic ☐ Suivi ☐ Rémission ☐ Evolution/Progression ☐ Rechute

DIAGNOSTIC / SUSPICION : ☐ LAL ☐ LAM ☐ SMD ☐ LMMC ☐ LMC ☐ TE ☐ PV ☐ Myélofibrose primitive

☐ LLC ☐ LNH folliculaire ☐ LNH Manteau ☐ Waldenström ☐ Myélome ☐ Autre (préciser) :

TRAITEMENT (obligatoire si LMC) :

ANALYSE(S) DEMANDÉE(S) : ☐ Stockage ADN ☐ Stockage ARN (conservation pour analyse moléculaire ultérieure)

LMC DIAGNOSTIC :

☐ Recherche des transcrits BCR-ABL1* Δ 2 x 7mL sang

LMC SUIVI :

☐ Quantification du transcrit BCR-ABL1 Δ transport 4°C

☐ Recherche de mutation du site tyrosine kinase d'ABL1 (EXAMEN EXTERNALISE)

* joindre impérativement les résultats de NFS

NEOPLASIES MYELOPROLIFERATIVES* (non LMC) :

☐ NGS Bilan NMP (ASXL1, CALR, JAK2, MPL)

☐ Mutation isolée JAK2 V617F

→ Si JAK2V617F négatif + contexte évocateur :

☐ JAK2 ex12 ☐ CALR ex9 + MPL ex10

☐ NGS polyglobulie : exploration d'une polyglobulie constitutionnelle Δ CONSENTEMENT ET ATTESTATION DE CONSULTATION OBLIGATOIRES

* joindre impérativement les résultats de NFS

LAL DIAGNOSTIC :

☐ Recherche des transcrits BCR-ABL1 Δ 2 x 7mL sang

LAL SUIVI :

☐ Quantification du transcrit BCR-ABL1

LAM DIAGNOSTIC :

☐ Mutations FLT3-ITD, FLT3-TKD (D835), NPM1

☐ Mutations IDH1 et IDH2

☐ NGS myéloïde (ASXL1, ASXL2, BCOR, BCORL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, CUX1, DDX41, DNMT3A, ETV6, ETV7, ETV8, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2)

Recherche des transcrits récurrents :

☐ RUNX1-RUNX1T1 ☐ PML-RARA α ☐ CBF β -MYH11

LAM SUIVI :

☐ Quantification mutation NPM1

☐ Quantification du transcrit RUNX1-RUNX1T1 (AML1-ETO) t(8;21)

☐ Quantification du transcrit PML-RARA α t(15;17)

☐ Quantification du transcrit CBF β -MYH11 inv16 ou t(16;16)

HEMOPATHIES LYMPHOIDES :

☐ Monoclonalité B (+ chaînes légères IgK et IgL selon contexte)

☐ Monoclonalité T

☐ Réarrangement IGH-BCL2 t(14;18)

☐ Réarrangement IGH-BCL1 t(11;14) Δ 2 x 7mL sang

☐ Expression du gène CCND1 (cycline D1) Δ 2 x 7mL sang

☐ Statut mutationnel des IGHV* (LLC)

☐ NGS ciblé MYD88 et CXCR4

☐ NGS ciblé TP53

☐ NGS ciblé BRAF

SMD, LMMC, autres :

☐ NGS myéloïde (ASXL1, ASXL2, BCOR, BCORL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, CUX1, DDX41, DNMT3A, ETV6, ETV7, ETV8, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2)

☐ NGS ciblé SF3B1

☐ NGS ciblé UBA1

ORDONNANCE d'ANALYSES de BIOLOGIE MOLÉCULAIRE des HEMOPATHIES MALIGNES / #reference#-MOD V4 - 19246.7 / Applicable le: #vp step 1 date# (en cas de d'approbation simple)

ORDONNANCE d'ANALYSES de BIOLOGIE MOLÉCULAIRE des HEMOPATHIES MALIGNES / 6253-PREA -MOD V4 - 19246.7 / Applicable le: #vp step 2 date#

Document interne propriété du CHU DIJON BOURGOGNE - Seule la version informatique fait foi