

Feuille de demande - Génétique moléculaire des Hémopathies

A remplir par le prescripteur – A joindre obligatoirement

Contacts : Dr Bernard ARAL bernard.aral@chu-dijon.fr / Dr Julliane BLOCH julliane.bloch@chu-dijon.fr

Tel : 03 80 29 57 20 – Fax : 03 80 29 35 66

Manuel de prélèvements : <https://www.chu-dijon.fr/fr/service/manuel-prelevements>

NOM : NOM de naissance : PRENOM : DATE DE NAISSANCE : SEXE : <input type="checkbox"/> F <input type="checkbox"/> M	<i>Etiquette patient</i>	Hôpital / Service demandeur : Médecin prescripteur : Date du prélèvement : Nom du préleveur :
--	--------------------------	--

PRÉLÈVEMENT (TUBE EDTA, stockage T° amb) : Sang (min. 5mL) Moelle Autre :

OPPOSITION A LA CONSERVATION ? : oui non (OBLIGATOIRE. Le document initial est à conserver dans le dossier patient au niveau du service clinique)

RENSEIGNEMENTS CLINIQUES OBLIGATOIRES :

STADE DE LA MALADIE : Diagnostic Suivi Rémission Evolution/Progression Rechute

DIAGNOSTIC / SUSPICION : LAL LAM SMD LMMC LMC TE PV Myélofibrose primitive
 LLC LNH folliculaire LNH Manteau Waldenström Myélome Autre (préciser) :

TRAITEMENT (obligatoire si LMC) :

ANALYSE(S) DEMANDÉE(S) : Stockage ADN Stockage ARN (conservation pour analyse moléculaire ultérieure)

LMC DIAGNOSTIC :

Recherche des transcrits BCR-ABL1* Δ 2 x 7mL sang

LMC SUIVI :

Quantification du transcrit BCR-ABL1 Δ transport 4°C
 Recherche de mutation du site tyrosine kinase d'ABL1 (EXAMEN EXTERNALISE)

* joindre impérativement les résultats de NFS

NEOPLASIES MYELOPROLIFERATIVES* (non LMC) :

NGS Bilan NMP (ASXL1, CALR, JAK2, MPL)

Mutation isolée JAK2 V617F

→ Si JAK2V617F négatif + contexte évocateur :

JAK2 ex12 CALR ex9 + MPL ex10

NGS polyglobulie : exploration d'une polyglobulie constitutionnelle Δ CONSENTEMENT ET ATTESTATION DE CONSULTATION OBLIGATOIRES

* joindre impérativement les résultats de NFS

LAL DIAGNOSTIC :

Recherche des transcrits BCR-ABL1 Δ 2 x 7mL sang

LAL SUIVI :

Quantification du transcrit BCR-ABL1

LAM DIAGNOSTIC :

Mutations FLT3-ITD, FLT3-TKD (D835), NPM1

Mutations IDH1 et IDH2

NGS myéloïde (ASXL1, ASXL2, BCOR, BCORL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, CUX1, DDX41, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2)

Recherche des transcrits récurrents :

RUNX1-RUNX1T1 PML-RARA α CBF β -MYH11

LAM SUIVI :

Quantification mutation NPM1 (EXAMEN EXTERNALISE)

Quantification du transcrit RUNX1-RUNX1T1 (AML1-ETO) t(8;21)

Quantification du transcrit PML-RARA α t(15;17)

Quantification du transcrit CBF β -MYH11 inv16 ou t(16;16)

SMD, LMMC, autres :

NGS myéloïde (ASXL1, ASXL2, BCOR, BCORL1, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, CUX1, DDX41, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NRAS, PHF6, PTPN11, RAD21, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2)

NGS ciblé SF3B1

NGS ciblé UBA1

ORDONNANCE d'ANALYSES de BIOLOGIE MOLÉCULAIRE des HEMOPATHIES MALIGNES / #reference#-MOD V4 - 19246.6 / Applicable le: 24/03/2023 (en cas de d'approbation simple)

ORDONNANCE d'ANALYSES de BIOLOGIE MOLÉCULAIRE des HEMOPATHIES MALIGNES / 6253-PREA -MOD V4 - 19246.6 / Applicable le: Document interne propriété du CHU DIJON BOURGOGNE - Seule la version informatique fait foi